

# # 22 CARACTERIZACIÓN ETIOLÓGICA DE DIARREAS AGUDAS HOSPITALIZADAS EN CENTRO Terciario MEDIANTE PANEL MOLECULAR FILMARRAY GASTROINTESTINAL DURANTE 2021-2025: ANÁLISIS DE 1083 MUESTRAS.

congastro2025-22

Delgado C.<sup>1</sup>, Valenzuela C.<sup>1</sup>, Weissglas B.<sup>2</sup>, Silva C.<sup>3</sup>. <sup>1</sup>Unidad de Gastroenterología, Servicio de Medicina Interna, Hospital las Higueras, Talcahuano, Chile. <sup>2</sup>Residente de Medicina Interna, Facultad de Medicina, Universidad de Concepción, Chile. <sup>3</sup>Jefe de Laboratorio Clínico, Hospital las Higueras, Talcahuano, Chile.

**INTRODUCCIÓN:** La diarrea aguda en Chile no dispone datos de prevalencia en población adulta hospitalizada. El estudio etiológico debe realizarse en diarreas agudas graves o con comorbilidades de riesgo. Las técnicas moleculares ofrecen mayor rendimiento, rapidez y agentes identificables frente a coprocultivo y parasitológico. **OBJETIVOS:** Caracterizar la etiología de hospitalizados por diarreas agudas. **METODOLOGÍA:** Análisis descriptivo observacional-transversal de Panel FilmArray Gastrointestinal (GI) en hospitalizados con diarrea aguda severa y/o asociada a: inmunosupresión, disentería, del viajero, en prolongación o enfermedad inflamatoria intestinal durante 2021-2025 en un hospital terciario. **RESULTADOS:** Se analizó 1083 muestras. El 60,7% (n=657) resultó positiva; con un 23,3% (n=252) de coinfecciones, con un rango de 2 a 6 patógenos (dos: n=182; tres: n=56; cuatro: n=12; cinco: n=1; seis: n=1). La principal etiología fue bacteriana (61,2%; n=610), seguida de virus (36,4%; n=362) y parásitos (2,4%; n=24). Los agentes más prevalentes fueron E. coli enteropatógena (16,6%), Rotavirus A (14,4%), Clostridium difficile toxina A/B (13,4%), Norovirus GI/GII (12,7%) y Campylobacter (12,2%). El principal agente parasitario fue Giardia lamblia (2,2%; n=22). **CONCLUSIÓN:** El FilmArray GI permite una amplia caracterización etiológica en diarreas agudas con criterios de severidad. Destacó la alta prevalencia bacteriana y de coinfecciones. Estos hallazgos permiten ajustes de terapia y prevenir complicaciones asociadas, lo que refuerza el valor de las técnicas moleculares en hospitalizados.

Panel molecular FilmArray Gastrointestinal		
Patógeno	N	%
Enteropathogenic E. coli (EPEC)	165	16,57
Rotavirus A	143	14,36
Clostridium difficile toxin A/B	133	13,35
Norovirus GI/GII	126	12,65
Campylobacter	121	12,15
Enteraggregative E. coli (EAEC)	74	7,43
Adenovirus F 40/41	40	4,02
Sapovirus	33	3,31
Shiga-like toxin-producing E. coli (STEC) stx1/stx2	33	3,31
Salmonella	26	2,61
Giardia lamblia	22	2,21
Enterotoxigenic E. coli (ETEC) It/st	22	2,21
Astrovirus	20	2,01
Yersinia enterocolitica	19	1,91
Shigella/Enteroinvasive E. coli (EIEC)	11	1,1
E. coli O157	3	0,3
Vibrio spp	2	0,2
Cryptosporidium	2	0,2
Plesiomonas shigelloides	1	0,1
	0	0
sis	0	0
1	0	0

